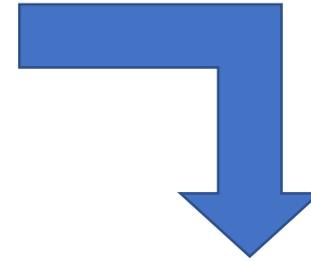


Aujourd'hui dans la base de donnée Pyrénéenne...

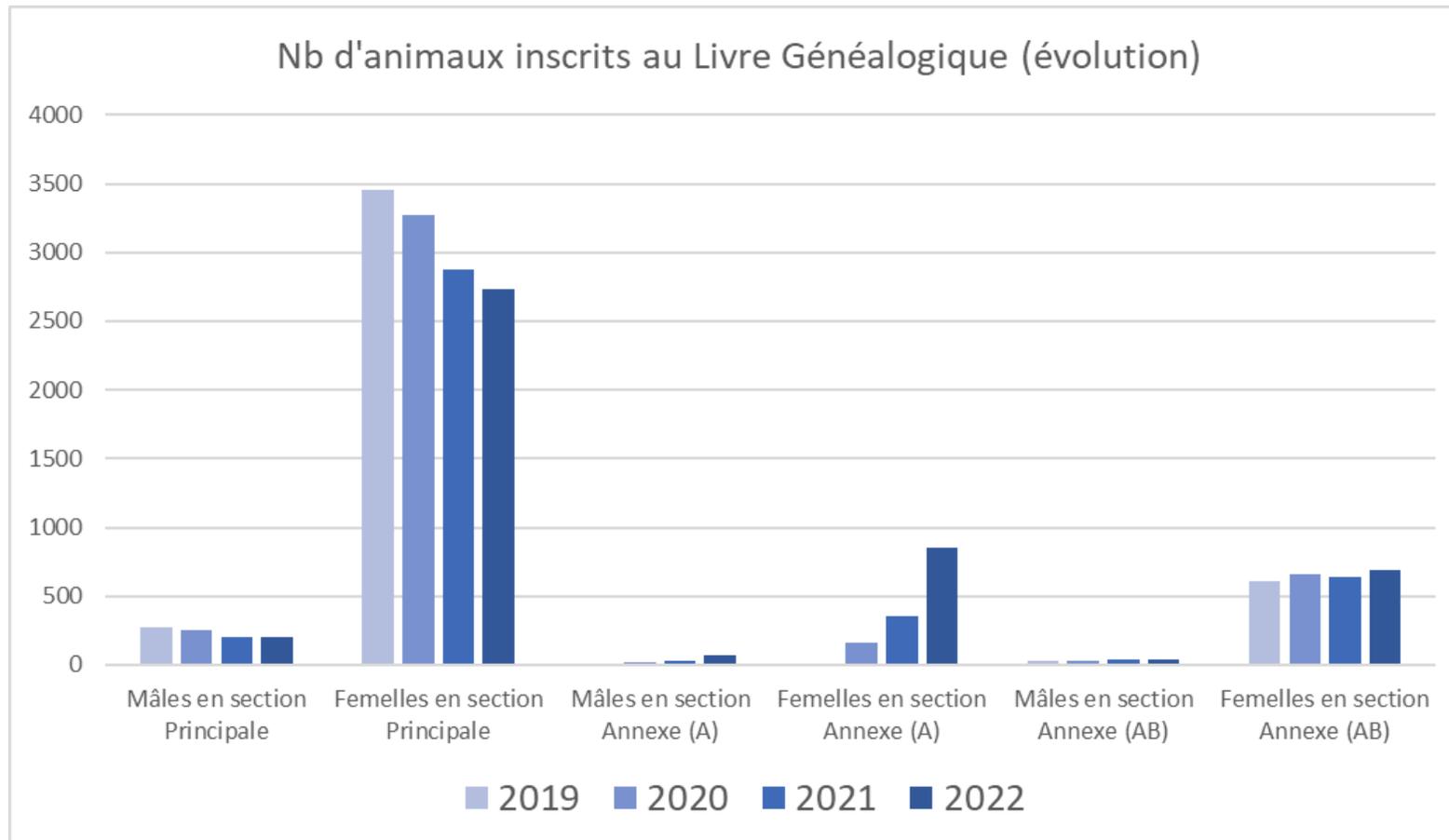
6 140 Animaux « pyrénéens » réputés vivants

Ngen moyen = 1,8

479 mâles
5 661 femelles

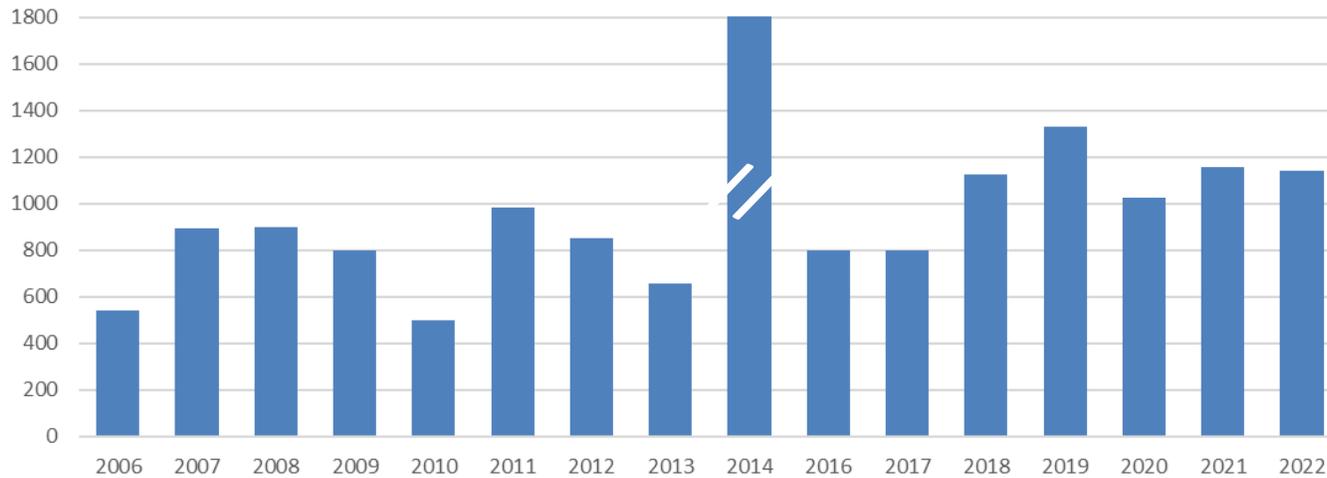


306 mâles
et 4276 femelles
inscrits au livre
généalogique
(65% sont en
section principale)



Nombre de ID

Nombre d'animaux entrés dans la base BDPyr

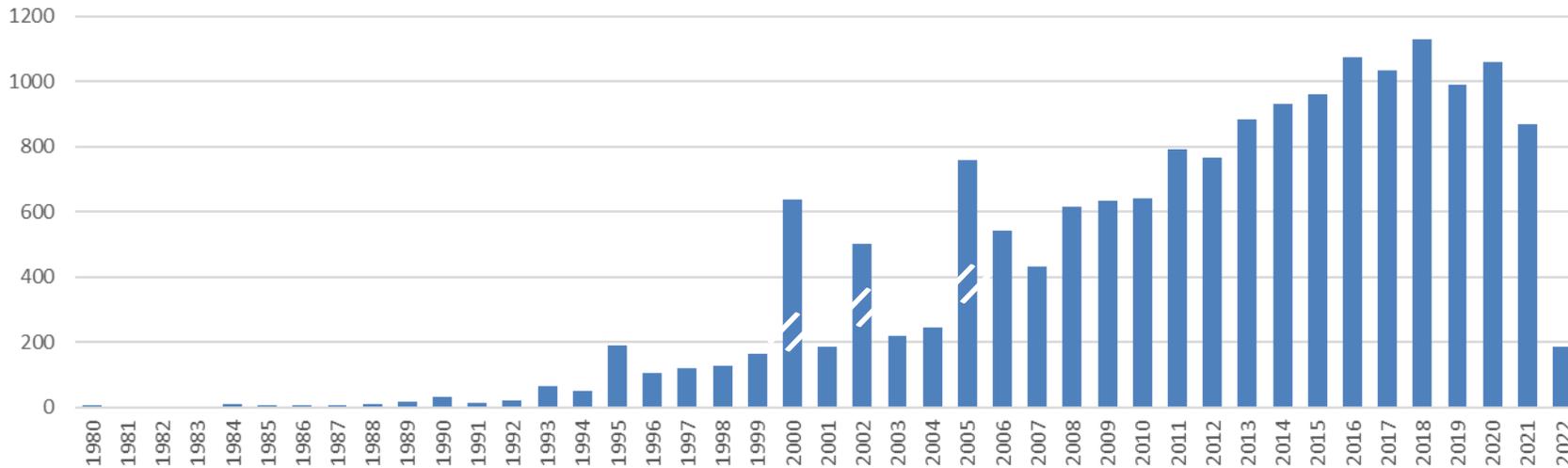


Correspond aux saisies réalisées suites aux inventaires ou à l'envoi de mise à jour par les éleveurs (nb d'entrées dans la base par an quelque soit l'année de naissance des animaux)
Nb : 2014 est artificiellement élevé

DCRE

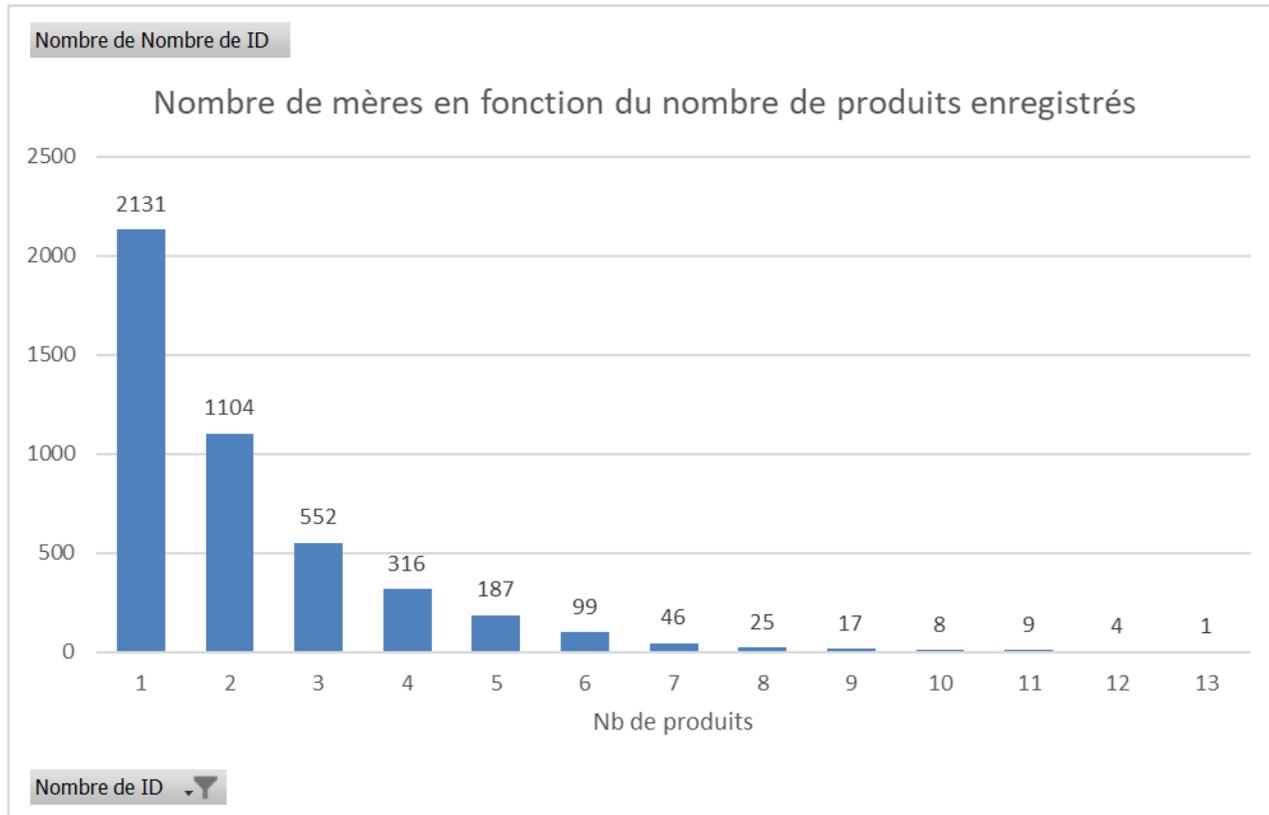
Nombre de ID

Nombre d'animaux de la base par année de naissance



Nombre d'animaux dans la base de donnée par année de naissance
Nb: 1995, 2000, 2002 et 2005 sont artificiellement élevés

MIANIM



Jusqu'à 13 chevreaux enregistrés (mâles et femelles) par mère... mais 85% des mères ont moins de 3 produits enregistrés

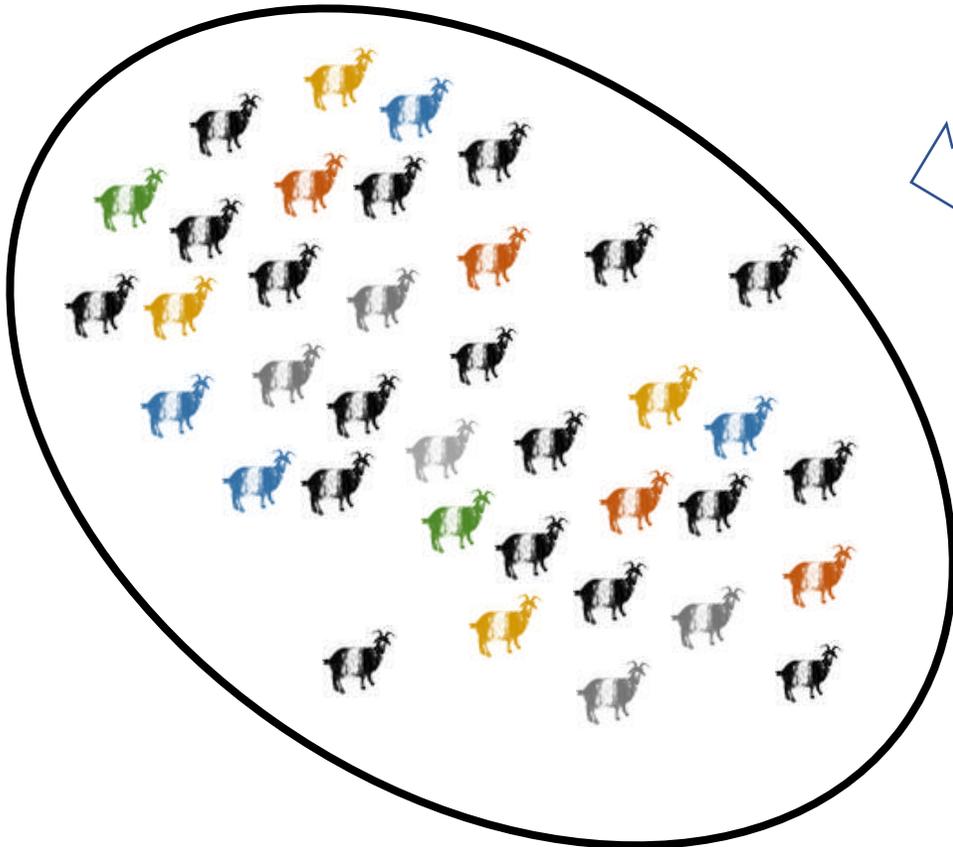
Jusqu'à 106 produits par père!!...
(36% des pères ont 3 produits et moins;
85% des pères ont moins de 20 produits enregistrés)

Bouc	Nb de produits
Karlo* 10110	106
Louksor* 60018	99
Cendrillo 50012	93
Farouk 00011	91
Ithaque 30007	86
Lino* 50136	69
Léon 50212	66
Haribo* 21107	62
Flash 50011	58
15001	56
Hector 40026	56
Marius 60061	56

Bilan génétique Chèvre des Pyrénées											
(sources : Institut de l'Élevage jusqu'à la période de référence 2007-2010 et Association Chèvre des Pyrénées pour les périodes suivantes)											
									A partir de 2019 : correction de la base de référence en supprimant les animaux croisés		
Population de référence (femelles avec 2 parents connus)	465 chèvres nées entre 2005 et 2008	559 chèvres nées entre 2007 et 2010	792 chèvres nées entre 2008 et 2011	927 chèvres nées entre 2009 et 2012	1240 chèvres nées entre 2011 et 2014	1453 chèvres nées entre 2012 et 2015	1549 chèvres nées entre 2013 et 2016	1520 chèvres nées entre 2014 et 2017	1654 chèvres nées entre 2015 et 2018	1608 chèvres nées entre 2016 et 2019	1751 chèvres pyrénéennes nées entre 2017 et 2020
Date analyse Pedig			07/08/2013	15/10/2014	09/08/2016	17/07/2017	27/07/2018	02/08/2019	04/08/2020	05/08/2021	12/07/2022
Nb d'équivalent générations connues (Ngen)	2,3	2	2,5	2,7	2,9	2,9	3,0	3,1	3,2	3,3	3,4
Nb moyen d'ancêtres connus	13,7	10,4	26,1	36	43	45,3	49	54	59	63	71
Nb de fondateurs	332	389	542	655	795	891	909	970	977	1005	1048
Fondateurs efficaces				140	187	203	215	212	202	187	195
Nb d'ancêtres efficaces			67 à 110	97	117	127 à 131	135 à 138	132 à 136	124 à 126	115 à 118	119
20% de la variabilité est expliquée par	5 ancêtres	7 ancêtres	8 ancêtres	8 ancêtres	9 ancêtres	10 ancêtres	11 ancêtres	11 ancêtres (<i>naisseur</i>)	10 ancêtres (<i>naisseur</i>)	9 ancêtres (<i>naisseur</i>)	9 ancêtres (<i>naisseur</i>)
	<i>Axurit, Arette, LeMoulin, 8047 et Acherito</i>	<i>LeMoulin, Axurit, Arette, Acherito, Neptune, Pyros et 2015</i>	<i>Axurit, Arette, Pacha, Soucie, Robert, Aconit, Milou, Eros</i>	<i>Axurit, Acherito, Eberlué, Arette, Robert, Melba, Gaspard, LeMoulin</i>	<i>Axurit, Acherito, Arette, Eberlué, LeMoulin, Qrème, Farouk, Melba, Ecoreuil</i>	<i>Axurit, Farouk, Pacha, Arette, Eberlué, Qrème, Yakuru, Le Moulin, Pyros, Soldanelle</i>	<i>Farouk, Axurit, Karlo, Pacha, Eberlué, Arette, Le Moulin, Marco, Yakuru, Carambar, Ennio</i>	<i>Farouk (Soumeillan) Karlo (Carrere M) Axurit (Verdaguer) Pacha (Pacheu) Eberlué (Garcet L) Hector (Tourné) Ithaque (Soumeillan) Ennio (Soumeillan) Carambar (Kneppers) Agian (Duronéa) Ecoreuil (Cockenpot)</i>	<i>Karlo (Carrere M) Pacha (Pacheu) Axurit (Verdaguer) Farouk (Soumeillan) Eberlué (Garcet Lacoste) Ennio (Soumeillan) Ithaque (Soumeillan) Inik (Aurnague) Hector (Tourné) Carambar (Kneppers)</i>	<i>Karlo (Carrere M) Pacha (Pacheu) Ennio (Soumeillan) Axurit (Verdaguer) Farouk (Soumeillan) Hector (Tourné) Eberlué (Garcet L) Harold (Lapuyade) Ithaque (Soumeillan)</i>	<i>Karlo (Carrere M) Pacha (Pacheu) Axurit (Verdaguer) Louksor (Soumeillan) Ennio (Soumeillan) Itsusi 9003 (Ondicol) Farouk 00011 (Soumeillan) Eberlué (Garcet L) Carambar (Kneppers)</i>
Nb d'animaux consanguins (csg >25%)	12 animaux	5 animaux	21 animaux	30 animaux	24 animaux	13 animaux	9 animaux	5 animaux	9 animaux	6 animaux	19 animaux
(12,5% à 25%)		29 animaux	15 animaux	15 animaux	22 animaux	34 animaux	40 animaux	51 animaux	60 animaux	73 animaux	77 animaux
Consanguinité moyenne			1,76%	1,58%	1,23%	1,15%	1,09%	1,16%	1,29%	1,46%	1,61%

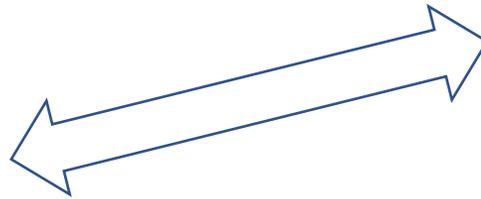
L'originalité génétique (calcul de l'indicateur)

Ensemble de la population de chèvres des Pyrénées (animaux dont on connaît les 2 parents et dont Ngen est > à 2)

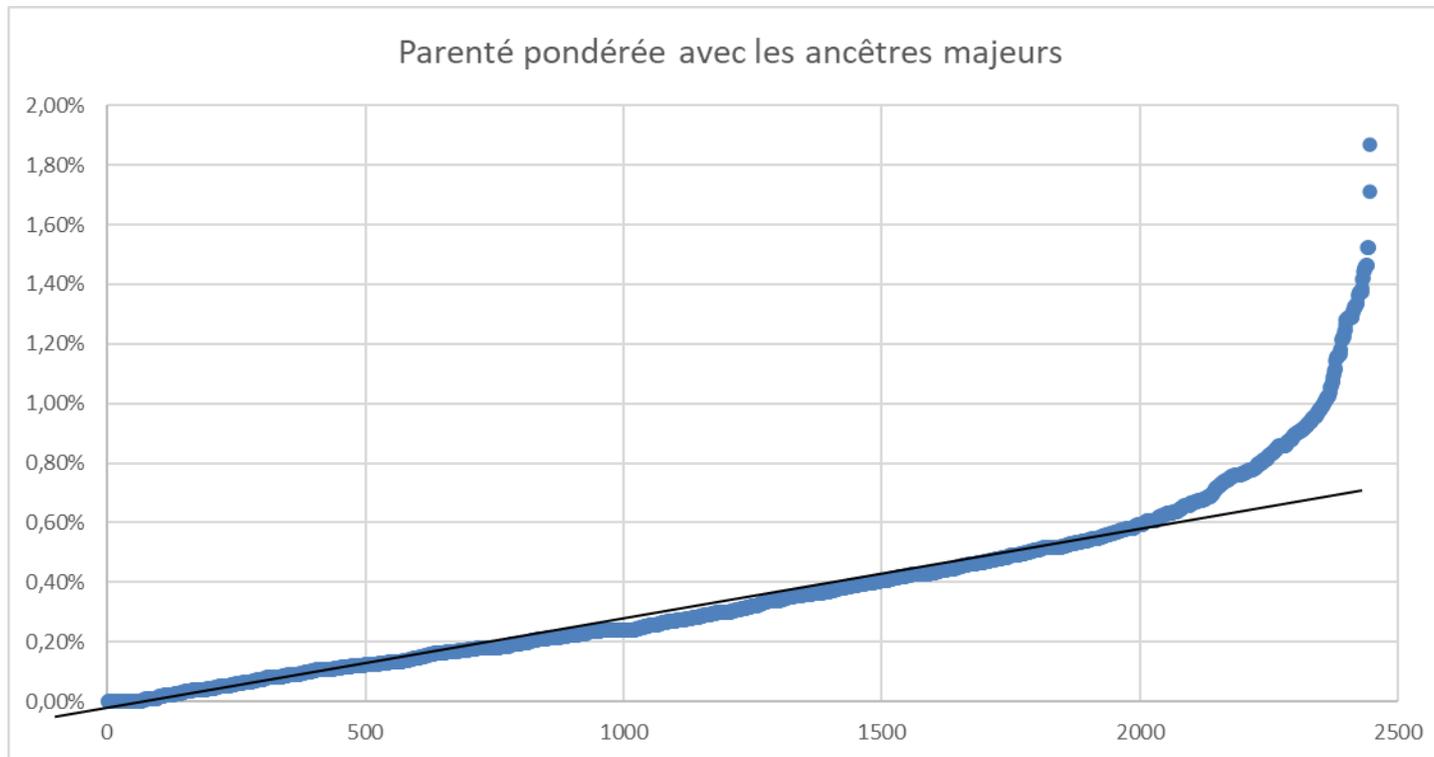


Les principaux ancêtres
(ceux qui expliquent 20 à 25% de la
variabilité génétique)

avec chacun
une contribution
« marginale »



1. Calcul de l'apparentement entre les animaux de la population et les principaux ancêtres
2. Traitement des données pour chaque animal de la population (somme de l'apparentement à tous les ancêtres principaux pondérée par leur contribution marginale)
3. Classement des résultats obtenus du plus petit au plus grand et affectation d'un indicateur d'originalité génétique



L'affectation d'un indicateur d'originalité génétique est arbitraire

De 1 : animal peu original
 À 10 : animal très original ou tout au moins peu apparenté aux ancêtres principaux



Apparemment = 0
Note 10

Apparemment
 entre 0,01 et 0,6%
Notes de 9 à 5
 par tranches égales
 de population

Apparemment
 entre 0,61 et 1,87%
Notes de 4 à 1
 par tranches égales
 de population

Et maintenant ?...

Au vu des éléments présentés

Quels éléments mettre en avant dans le bulletin d'info?

Quelles actions à mettre en place?