**Prise de notes réunion téléphonique du 19 février 2021**

**Commission Variabilité Génétique**

1. Tour de table, présentations rapides
2. Définition de la variabilité génétique, pourquoi c’est important de la conserver. Principaux indicateurs
3. Ce qui existe déjà en Pyrénéenne (suivis Idele, suivis asso)
4. Brainstorming :
	* comment conserver la diversité (sauver les familles qui risqueraient de disparaitre)
	* recenser les pratiques qui risquent de diminuer cette variabilité
5. Que mettre en place pour l’instant ? court /moyen / long terme

Présents : Julien Boucher ; Philippe Martial ; Abdul Kaba ; Clément Baillet ; Coralie Danchin (Idele) ; Christophe Kuster

**Notion de variabilité génétique**

Chaque animal a 2 copies de chaque gènes qu’on appelle des Allèles. Sur un animal ils peuvent être identiques ou pas. Certains sont dominants d’autres récessifs. Les allèles dominants s’expriment même quand ils sont seuls (exemple des pampilles : caractère dominant et caractère motte, dominant également). Les allèles récessifs ne s’expriment que s’ils sont 2, ils passent donc souvent inaperçus.

Il existe plusieurs allèles pour chaque gènes (exemple de la caséine alpha S1 : il y en a au moins 7 ou 8) mais chaque animal n’en porte que 2.

Dans une race à faible effectif, il y a une forte probabilité de perdre des allèles rares, puisqu’on ne les connait pas toujours. D’où l’intérêt de sélectionner sur plusieurs critères

On ne peut sélectionner que lorsqu’il y a suffisamment de variabilité (sinon les animaux sont tous « identiques »).

**Quelle est la variabilité génétique dans la race pyrénéenne ?**

* A partir des généalogies on calcule des indicateurs de consanguinité (à condition que les généalogies soient le plus complètes possibles)
* Généalogies : le nombre de pères connus permet d’approcher la variabilité
* La taille de la population est favorable aussi
* Ancêtres majeurs : ce sont les ancêtres communs à plusieurs familles, ceux qui ont donné beaucoup de descendants. Si ce sont des animaux récents, c’est plus embêtant, car cela donne de la consanguinité proche et cela risque de diffuser des tares

La consanguinité la plus dangereuse est la consanguinité proche (parents/grands parents/arrière grand parents)

Aujourd’hui, la variabilité génétique de la race pyrénéenne est bonne (au vu des indicateurs calculés) c’est rassurant, mais il y a beaucoup de trous dans les généalogies, ce qui limite la connaissance .

Les analyses moléculaires (génotypage) pourraient nous permettre de dépasser cette problématique et de retrouver cette « mémoire » perdue. Les premières analyses ont l’air rassurantes (c’est un échantillonnage).

**Quelles sont les mauvaises pratiques :**

* Conserver un mâle de son troupeau pour le faire reproduire chez soi
* Garder un mâle plus de 2 ans (ou le faire saillir ses filles)
* Ne pas avoir de gestion collective / ni d’informations globales pour savoir quels boucs sont dans quels élevages (avec le risque d’acheter un bouc apparenté à son troupeau)
* Faire trop confiance à des animaux qui sortent de nulle part

D’où le besoin d’avoir une gestion collective des boucs et des généalogies pour connaitre l’apparentement.

Idée : fiche conseil pour choisir un bouc (ou éviter un bouc)

Info Pedig : Par3 calcule l’apparentement des boucs avec toutes les femelles de la race (puis matrice)

Indicateurs d’originalité génétique mis en place et diffusé depuis 2020

* Pour les éleveurs qui ont des notes élevées : ils peuvent se servir partout
* Pour ceux qui ont des notes basses : ils doivent choisir des mâles originaux
* Possibilité de faire un travail de conseil (accouplement)

**Axes de travail :**

A Garder en tête : Eviter la disparition de familles au niveau de la race (pas forcément au niveau individuel)

Communiquer sur ces notions

S’appuyer sur le Blablabouc pour diffuser des indicateurs

Définir /répertorier les animaux originaux : Encourager des éleveurs à acheter des chèvres originales ?

Eviter au maximum la consanguinité proche

Conseiller des accouplement avec peu d’apparentement

Faire une communication dans C&C : sur ces questions/notions là + sur les travaux des commissions